



Nome **DEBORAH GIORDANO**

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

1/11/2024 – ad oggi

CNR-ISA Avellino

Laboratorio di bioinformatica e biologia computazionale
Assegno professionalizzante

Analisi computazionali:

Studi computazionali su proteine aventi un ruolo chiave nell'esofagite eosinofila ed in diverse patologie atopiche tramite modellamento delle loro varianti naturali e dei complessi proteina-recettore o proteina-anticorpo, analisi computazionali sui possibili effetti destabilizzanti e disfunzionali di tali mutazioni. Studi computazionali atti al modellamento di proteine glicosilate e alla definizione di nuovi siti di binding per molecole di interesse farmacologico. Studi di docking proteina-proteina atti all'identificazione di complessi molecolari implicati in specifici meccanismi di regolazione biologica.

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

1/11/2023 – 31/10/2024

CNR-ISA Avellino

Laboratorio di bioinformatica e biologia computazionale
Assegno post dottorale

Analisi computazionali:

Studi computazionali su proteine aventi un ruolo chiave nell'esofagite eosinofila, modellamento delle loro possibili varianti missenso ed analisi computazionali sul loro possibile impatto strutturale e funzionale. Studi computazionali atti alla caratterizzazione dei possibili target proteici, a struttura nota o predetta, del proteoma umano di composti derivanti da matrice alimentare, con particolare interesse alla valorizzazione degli scarti alimentari di lavorazione e alla valorizzazione di particolari colture, tramite l'impiego di predittori di docking inverso e validazione dei dati ottenuti tramite simulazioni di docking diretto. Analisi delle interazioni proteina-proteina e simulazioni inerenti formazione ed inibizione di complessi proteici funzionali

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

1/11/2021-30/10/2023

CNR-ISA Avellino

Laboratorio di bioinformatica e biologia computazionale

Assegno post dottorale

Analisi computazionali:

Studi computazionali su sequenze proteiche e trascritti anche privi di caratterizzazione, analisi funzionali e strutturali tramite la ricerca di residui funzionali, motifs, pattern e domini di sequenza, modellamento proteico tramite ChimeraX AlphaFold e relativo perfezionamento tramite Modeller 9.22, valutazione e validazione dei modelli proteici predetti tramite specifici tools bioinformatici. Classificazione di sequenze tramite la costruzione di alberi filogenetici, mediante l'utilizzo di MEGA6.0. Caratterizzazione e studio delle interazioni tra proteine e specifici metaboliti/molecole bioattive di derivazione alimentare, tramite l'impiego di predittori quali GalaxySagittarius, SwissTargetPrediction, e relative simulazioni di docking molecolare tramite AutoDock. Predizioni di interazioni proteina – proteina tramite l'impiego di web server (HADDOCK, LzerD, RosettaDock).

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

1/11/2020 – 31/10/2021

CNR-ISA Avellino

Laboratorio di bioinformatica e biologia computazionale

Assegno professionalizzante

Analisi computazionali: ricerche in banche dati biologiche di informazioni su strutture proteiche (UniProt, PDB, NCBI-Protein database) e chimiche (PubChem, ZINC), analisi e selezione di strutture proteiche, identificazione e studio delle caratteristiche strutturali e conformazionali dei siti catalitici di specifiche proteine tramite Fpocket, MDpocket, POCASA 1.1, analisi computazionali delle interazioni proteina-ligando attraverso approcci di docking diretto sia focused che blind mediante l'uso di AutoDock e ADTools, modellamento di complessi peptide-proteina tramite Modeller 9.19, analisi computazionali delle interazioni peptide – proteina tramite PDBePISA, analisi computazionali delle interazioni proteina-proteina tramite PyMOL, PDBePISA e COCOMAPS.

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

1/07/2019 – 30/06/2020

CNR-ISA Avellino

Laboratorio di bioinformatica e biologia computazionale & Laboratory for Molecular Sensing

Assegno professionalizzante

Analisi computazionali: ricerche in banche dati biologiche e chimiche per studi in campo proteomico e metabolomico, analisi delle strutture proteiche, protein modelling tramite Modeller 9.19, analisi computazionali delle interazioni proteina-ligando attraverso approcci di docking diretto mediante l'uso di **AutoDock** and **ADTools**.

Analisi sperimentali: Colture batteriche, estrazione DNA plasmidico e digestione con enzimi di restrizione, PCR ed analisi dei suoi prodotti con l'elettroforesi su gel di agarosio, induzione dell'espressione proteica, purificazione tramite cromatografia ed analisi dell'espressione di specifiche proteine tramite SDS-PAGE.

6/11/2015 – 31/10/2018

Università degli Studi di Foggia – sede attività di lavoro CNR-ISA Avellino

Laboratorio di bioinformatica e biologia computazionale

Lavoro di tesi di ricerca

6mesi: da maggio 2017 a febbraio 2018 presso il **Department of Biochemistry**

Attività di ricerca all'estero

<ul style="list-style-type: none"> • Principali mansioni e responsabilità 	<p>dell'Università di Zurigo - Professor A. Caffish group - laboratory of computational and structural biology</p> <p>Analisi computazionali: Studi computazionali su sequenze proteiche attraverso allineamenti multipli di sequenze e analisi comparative mediante l'uso di Clustal Omega tool, ricerche di proteine omologhe tramite BLAST, ricerche in banche dati di sequenze proteiche, ricerca di motivi, patterns e domini proteici, protein modelling tramite Modeller 9.18, valutazione e validazione dei modelli creati tramite specifici tools bioinformatici. Analisi strutturale di proteine d'interesse attraverso studi di Dinamica Molecolare (attraverso GROMACS 5.0)</p> <p>Analisi sperimentali: Colture batteriche, clonaggio di uno specifico vettore, preparazione di pre-inoculi, inoculi ed induzione dell'espressione proteica, purificazione delle proteine periplasmatiche attraverso shock osmotico, purificazione tramite DEAE, analisi dell'espressione di specifiche proteine tramite SDS-PAGE e Western blot</p> <p>Marzo 2015 - Luglio 2015 Dipartimento di Chimica e Biologia Università degli studi di Salerno</p> <p>Laboratorio di biochimica Contratto di prestazione autonoma occasionale</p> <p>Analisi sperimentali: Colture cellulari, trattamenti cellulari con agenti antibiotici o antitumorali, analisi della citotossicità dei trattamenti mediante saggio MTT ed analisi degli effetti di tali agenti sulla proliferazione cellulare mediante saggi di entrata in fase S.</p> <p>Analisi computazionali: Analisi computazionali delle interazioni proteina-ligando attraverso approcci di docking diretto mediante l'uso di AutoDock and ADTools, analisi delle strutture proteiche, ricerche in banche dati biologiche e chimiche.</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Tipo di azienda o settore • Tipo di impiego • Principali mansioni e responsabilità 	<p>Aprile 2013 – Aprile 2014 Università degli Studi di Salerno</p> <p>Laboratorio di biochimica Lavoro di tesi di ricerca</p> <p>Analisi sperimentali: Colture cellulari, trattamenti cellulari con stimoli differenti e preparazione degli stessi, conte cellulari, quantizzazione proteica, preparazione di lisati cellulari, analisi dell'espressione di specifiche proteine mediante Western blot, analisi della tossicità dei trattamenti mediante saggio MTT, analisi della proliferazione cellulare mediante saggi di entrata in fase S, analisi della presenza di apoptosi mediante saggio caspasi-3 e saggio tunel su vetrini di sezione istologica, analisi del differenziamento cellulare tramite saggio fosfatasi, analisi dell'espressione genica tramite PCR ed elettroforesi su gel di agarosio.</p> <p>Analisi computazionali delle interazioni ligando proteina, mediante docking inverso effettuate tramite idTarget, analisi computazionali delle interazioni proteina ligando attraverso studi di docking diretto, mediante l'uso di AutoDock4.2. Analisi delle strutture proteiche, ricerche in banche dati biologiche (UniProt, PDB, KEGG) e in banche dati di strutture chimiche (PubChem).</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Tipo di azienda o settore • Tipo di impiego • Principali mansioni e responsabilità 	<p>Settembre 2011– Novembre 2011 (durata 300 ore) AORN San Giuseppe Moscati, Contrada Amoretti, 83100 Avellino</p> <p>Laboratorio di analisi cliniche Tirocinio formativo</p> <p>Accettazione, controllo della correttezza del prelievo (giusto livello in provetta e assenza di eventuali coaguli o microcoaguli), centrifuga dei campioni, analisi dei campioni attraverso esame emocromocitometrico ed esami biochimici, valutazione della</p>

coagulazione sanguigna, emogasanalisi, analisi delle urine con cartina al tornasole.

ESPERIENZA DIDATTICA

<ul style="list-style-type: none">• Date (da – a)• Nome del datore di lavoro<ul style="list-style-type: none">• Tipologia d'incarico• Tipo di attività	<p>Anno Accademico 2024/2025</p> <p>Dipartimento di Scienze e Tecnologie del Università degli studi del Sannio</p> <p>Incarico di docenza per il corso di laurea magistrale in Biotecnologie Genetiche e Molecolari</p> <p>Docente per l'insegnamento di Ingegneria Proteica e Chimica delle Biomolecole- 1°semB (durata: 38 ore- 5cfu)</p>
<ul style="list-style-type: none">• Date (da – a)• Nome del datore di lavoro<ul style="list-style-type: none">• Tipologia d'incarico• Tipo di attività	<p>Anno Accademico 2024/2025</p> <p>Dipartimento di Chimica e Biologia Università degli studi di Salerno</p> <p>Incarico di Supporto alle attività didattiche dell'insegnamento di Principi di Chimica Biologica.</p> <p>Assistenza allo studio della biochimica agli studenti dei corsi di laurea in Chimica e in Scienze Ambientali (durata: 20 ore)</p>
<ul style="list-style-type: none">• Date (da – a)• Nome del datore di lavoro<ul style="list-style-type: none">• Tipologia d'incarico• Tipo di attività	<p>Anno Accademico 2024/2025</p> <p>Biennale delle Arti e delle Scienze del Mediterraneo</p> <p>Incarico di docente esterno presso l'ISS V. De Capraris di Atripalda (AV)</p> <p>Docente esterno per il "percorso di tutoraggio per l'orientamento agli studi e alle carriere STEM" rivolto a studenti del terzo (4ore), quarto (24ore) e quinto anno (4ore) per un totale di 32 ore.</p>
<ul style="list-style-type: none">• Date (da – a)• Nome del datore di lavoro• Tipologia e luogo dell'evento<ul style="list-style-type: none">• Tipo di attività	<p>2/09/2020 – 7/10/2020</p> <p>Ordine nazionale dei biologi</p> <p>Ciclo di lezioni di introduzione alla Genomica e Proteomica per biologi sperimentali</p> <p>Docente per le lezioni: "PRIDE" e "Human Proteome", ed helper nell'ambito dell'intero corso teorico pratico svoltosi in modalità telematica (durata: 40 ore)</p>
<ul style="list-style-type: none">• Data• Nome del datore di lavoro• Tipologia e luogo dell'evento<ul style="list-style-type: none">• Tipo di attività	<p>29/01/2019</p> <p>Liceo Scientifico Mancini</p> <p>Settimana scientifica presso il Samantha Della Porta (AV)</p> <p>Seminario: "I nostri piccoli geni...breve viaggio nel DNA"</p>
<ul style="list-style-type: none">• Data• Nome del datore di lavoro<ul style="list-style-type: none">• Tipo di attività• Tesi seguite	<p>2017-2024</p> <p>Università degli studi di Salerno</p> <p>Cotutoraggio tesi di laurea magistrali e triennali</p> <ul style="list-style-type: none">— Anno accademico: 2023/2024 Candidato: Valentina Pizza Corso di laurea in Magistrale Biologia Titolo tesi: IN SILICO AND IN CELLULO ANALYSIS OF PROHIBITIN-2 LIGANDS TO COUNTERACT THE EFFECTS OF THE CANCER-RELATED KINASE AURKA AT MITOCHONDRIA— Anno accademico: 2023/2024 Candidato: Giovanni Malafronte Corso di laurea in Magistrale Biologia Titolo tesi: RUOLO DEL BMAA NELLA PROGRESSIONE DELLE MALATTIE NEURODEGENERATIVE: POSSIBILI INTERAZIONI E MECCANISMI D'AZIONE— Anno accademico: 2023/2024 Candidato: Cristina Accardi Corso di laurea in Magistrale Biologia Titolo tesi: STUDIO MOLECOLARE DELL'ATTIVITÀ ANTI-IPERCOLESTEROLEMICA DELLA BERBERINA SU DIVERSI TARGET PROTEICI DEL METABOLISMO LIPIDICO— Anno accademico: 2022/2023 Candidato: Simone Bonora Corso di laurea in Magistrale Biologia Titolo tesi: CLASSIFICAZIONE E

	<p>CARATTERIZZAZIONE STRUTTURALE E FUNZIONALE DI LIPOSSIGENASI IN DIATOMEE</p> <ul style="list-style-type: none"> — Anno accademico: 2021/2022 Candidato: Roberta Longo Corso di laurea in Magistrale Biologia Titolo tesi: STUDIO DELLE CARATTERISTICHE STRUTTURALI E FUNZIONALI DI HAMLET, ALFA LATTOALBUMINA UMANA LETALE PER LE CELLULE TUMORALI — Anno accademico: 2021/2022 Candidato: Antonella Nigro Corso di laurea in Magistrale Biologia Titolo tesi: STUDIO DELLA POTENZIALE ATTIVITÀ BIOLOGICA DI SOSTANZE ESTRATTE DA ALIMENTI — Anno accademico: 2020/2021 Candidato: Ilenia De Leo Corso di laurea in Magistrale Biologia Titolo tesi: STUDIO DELLA STRUTTURA DELLA PROTEINA NPR1 MEDIANTE METODI COMPUTAZIONALI E BIOINFORMATICI — Anno accademico: 2020/2021 Candidato: Rosa Bottone Corso di laurea in Magistrale Biologia Titolo tesi: LA VARIABILITÀ DELLE MOLECOLE HLA-DQ E LE PATOLOGIE AUTOIMMUNI — Anno accademico: 2020/2021 Candidato: Piera Maglio Corso di laurea in Magistrale Biologia Titolo tesi: STUDIO DELLE CARATTERISTICHE STRUTTURALI E FUNZIONALI DELLA PROTEINA TRIPTOFANO DECRABOSSILASI — Anno accademico: 2020/2021 Candidato: Rossella De Cicco Corso di laurea in Magistrale Biologia Titolo tesi: MODELLAMENTO DELLA STRUTTURA TRIDIMENSIONALE DELLA TRIPTOFANASI DA YERSINIA ENTEROCOLITICA — Anno accademico: 2019/2020 Candidato: Armando Amato Corso di laurea in Scienze Biologiche Titolo tesi: MICROBIOTA INTESTINALE: EVOLUZIONE DEI MICRORGANISMI E LORO IMPLICAZIONE NELLE MALATTIE — Anno accademico: 2018/2019 Candidato: Teresa Palumbo Corso di laurea in Scienze Biologiche Titolo tesi: L'ATTIVITÀ DEL GENOMA È REGOLATA DA SEGNI EPIGENETICI: IL RUOLO DELLA METILAZIONE — Anno accademico: 2018/2019 Candidato: Antonia D'Argenio Corso di Laurea Magistrale in Biologia Titolo tesi: ANALISI IN SILICO DEGLI EFFETTI DELLE MUTAZIONI SULLA STRUTTURA E LE FUNZIONI DELLA MENINA — Anno accademico: 2017/2018 Candidato: Matteo Delli Carri Corso di laurea in Scienze Biologiche Titolo tesi: UTILIZZO DELLE TRANSGLUTAMINASI MICROBICHE PER LA DETOSSIFICAZIONE DELLE FARINE DAL GLUTINE
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Nome del datore di lavoro • Tipo di attività • Materie 	<p>Dicembre 2015 - oggi</p> <p>Università degli studi di Salerno</p> <p>Culture Della Materia</p> <p>Biochimica Avanzata (laurea magistrale in biologia)</p> <p>Tecniche Omiche (laurea magistrale in biologia)</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Nome del datore di lavoro • Tipo di attività • Materie 	<p>Dicembre 2015 – Novembre 2017</p> <p>Università degli studi di Salerno</p> <p>Culture Della Materia</p> <p>Metodologie Analitiche e Biomolecolari (laurea in scienze biologiche)</p>
<p>ISTRUZIONE E FORMAZIONE DIDATTICA</p> <ul style="list-style-type: none"> • Data • Concorso sostenuto • Qualifica conseguita 	<p>03/05/2023</p> <p>Concorso ordinario STEM2022 classe A028</p> <p>Abilitazione all'insegnamento per la classe A028</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Data • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione 	<p>24/09/2018</p> <p>Università degli studi di Foggia</p>

- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio e valutazione conseguita

- Qualifica conseguita

- Valutazione finale

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

- Date (da – a)

- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

- Oggetto dello studio

- Data discussione esame finale

- Titolo tesi

- Qualifica conseguita

- Valutazione finale

- Data

- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

- Qualifica conseguita

- Valutazione finale

- Date (da – a)

- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio e valutazione conseguita

A2 - pedagogia generale e dell'inclusione scolastica – 28/30

B2 - aspetti affettivi e relazionali nella gestione del gruppo classe – 30/30

C2 - approfondimenti dei concetti di cultura, etnie, generi e generazioni relativamente alle vecchie e nuove forme di razzismo, delle politiche e di riconoscimento, degli usi politici dell'etnicità e dell'appartenenza religiosa – 30/30

D1 - metodologie e tecnologie didattiche – 30/30

Superamento del percorso formativo per l'acquisizione dei 24cfu di area antropo-psico-pedagogica e nelle metodologie didattiche (**Pef24**)

Idoneo

6/11/2015-31/10/2018

Università degli Studi di Foggia

Dottorato di ricerca in “Innovazione e Management di Alimenti ad Elevata Valenza Salutistica” – ciclo XXXI

27/03/2019

Transglutaminase, nutrition and human health

PhD in Health food Innovation and Management

Eccellente

20/02/2015

Università degli Studi del Sannio

Superamento degli **esami di stato** per l'**abilitazione all'esercizio della professione di biologo** (sezione A)

Abilitato

2012-2014

Università degli Studi di Salerno

Biochimica avanzata (incluso proteomica ed interattomica)

29/30,

bioinformatica (incluso microarray analysis)

30/30 e Lode,

tecnologie biomolecolari

27/30,

biologia molecolare avanzata (incluso next-generation sequencing)

30/30,

biochimica cellulare

30/30,

immunologia e fisiopatologia

30/30 e Lode,

microbiologia molecolare

29/30,

fisiologia del sistema nervoso

27/30,

biologia dello sviluppo e della riproduzione

30/30,

dietetica e prevenzione

30/30,

fisiopatologia endocrina

30/30 e Lode,

farmacologia generale

27/30,

controllo di qualità e gestione di impresa

30/30.

28/05/2014

Analisi degli effetti del 4-nonilfenolo in modelli cellulari umani mediante indagini sperimentali e computazionali

Laurea magistrale in Biologia

110/110 e Lode

- Data discussione esame finale

- Titolo tesi

- Qualifica conseguita

- Valutazione finale

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio e valutazione conseguita

2007-2011
Università degli Studi di Salerno

Istituzioni di matematica I e II	22/30,
Botanica	30/30,
citologia e istologia	28/30,
zoologia	29/30,
chimica generale e inorganica	22/30,
fisiologia vegetale	30/30,
ecologia	28/30,
fisica	23/30,
biologia molecolare	30/30 e Lode,
anatomia comparata	28/30,
chimica organica	20/30,
dermatologia	30/30,
metodologie biochimiche	26/30,
igiene	28/30,
fisiologia II	30/30,
tecniche dietetiche applicate	30/30,
genetica	23/30,
patologia generale	30/30,
analisi biochimico cliniche	30/30 e Lode,
idrologia	30/30,
biochimica	27/30,
fisiologia generale	30/30,
chimica fisica	25/30,
chimica analitica	28/30,
principi di informatica	24/30,
microbiologia	23/30.

- Data discussione esame finale
- Titolo tesi
- Qualifica conseguita
- Valutazione finale

14/12/2011
L'impiego della tecnica dell'ibridazione in situ fluorescente nella diagnosi della sindrome di delezione 22q11.2
Laurea in Scienze Biologiche
106/110

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
- Qualifica conseguita
- Valutazione finale

2002-2007
Liceo scientifico

Matematica, fisica, storia, lettere e filosofia, disegno tecnico, inglese, latino.

Diploma
100/100

CAPACITÀ E COMPETENZE PERSONALI ALTRE LINGUA

- Capacità di lettura
- Capacità di scrittura
- Capacità di espressione orale
- Capacità di ascolto

INGLESE
Livello europeo C1
Livello europeo B1
Livello europeo B1
Livello europeo B1

CAPACITÀ E COMPETENZE

BUONA CAPACITÀ DI LAVORARE IN CONTESTI DIFFERENTI (SIA SPERIMENTALI CHE COMPUTAZIONALI), E DI LAVORARE PARALLELAMENTE SU PIÙ ATTIVITÀ DI LABORATORIO,

ORGANIZZATIVE	<p>ACQUISITA DURANTE LO SVOLGIMENTO DEL MIO LAVORO DI TESI PER IL CONSEGUIMENTO DELLA LAUREA MAGISTRALE E DEL DOTTORATO DI RICERCA.</p> <p>CAPACITÀ DI GESTIRE DIFFERENTI LAVORI (AD ES. LAVORO IN LABORATORIO E LAVORO COME INSEGNANTE PRIVATA).</p> <p>AMMINISTRAZIONE DELLA CONTABILITÀ' E ORGANIZZAZIONE DI EVENTI SPORTIVI E NON, LEGATI ALLA MIA PARTECIPAZIONE ATTIVA ALL'ASSOCIAZIONE SPORTIVA E CULTURALE GAME OVER EVENTI E ALL'A.S.D.P.S. SOLO PER NUMERI 1.</p>
CAPACITÀ E COMPETENZE RELAZIONALI	<p>BUONA CAPACITÀ DI RELAZIONARMI IN GRUPPO E DI LAVORARE A CONTATTO CON MOLTE PERSONE, ACQUISITA DURANTE LO SVOLGIMENTO DELLA MIA ATTIVITÀ DI RICERCA PRESSO I LABORATORI UNIVERSITARI E DEL CNR-ISA E DURANTE LO SVOLGIMENTO DEL MIO LAVORO DI ADDETTA ALLA GESTIONE DELLE RISORSE UMANE ED ALLE VENDITE DURANTE TUTTE LE MANIFESTAZIONI, I TORNEI E GLI EVENTI ORGANIZZATI DALL'ASSOCIAZIONE SPORTIVA RICREATIVA E CULTURALE GAME OVER EVENTI.</p>
CAPACITÀ E COMPETENZE TECNICHE	<p>BUONA PADRONANZA DEGLI STRUMENTI MICROSOFT OFFICE, DI SOFTWARE APPLICATIVI E DI WEB SERVER IN AMBITO BIOINFORMATICO (AUTODOCK AND ADTOOLS, GROMACS 5.0, MODELLER9.18, IDTARGET, POCASA 1.1, FPCKET, MDPOCKET, MEGA6.0 TOOL, PHYML, MEME TOOL, PHYRE2, I-TASSER, T-COFFEE, JPRED, PROSA-WEB, QMEAN AND PROCHECK SERVER, CAMPARI ANALYSIS TOOLS IN R), E DI PACCHETTI DI GRAFICA MOLECOLARE QUALI VMD, PYMOL E CHIMERA, ACQUISITA DURANTE GLI ANNI DI STUDIO PER LA LAUREA MAGISTRALE, IL RELATIVO LAVORO DI TESI, DURANTE GLI ANNI DEL LAVORO DI DOTTORATO ED IL RELATIVO PERIODO DI RICERCA ALL'ESTERO OBBLIGATORIO.</p>
ALTRE CAPACITÀ E COMPETENZE	<p>BUONA CAPACITÀ DI INSEGNAMENTO, ACQUISITA DURANTE LE ATTIVITÀ DI CO-TUTORAGGIO RELATIVO AL TIROCINIO FORMATIVO DI DIVERSI STUDENTI MAGISTRALI ED IL MIO LAVORO DI DOPOSCUOLA A BAMBINI E RAGAZZI</p>
PATENTE O PATENTI	<p>Patente di guida B</p>
ULTERIORI INFORMAZIONI	<p>PUBBLICAZIONI:</p> <p>Article: "Mitochondrial gene editing and allotopic expression unveil the role of orf125 in the induction of male fertility in some Solanum spp. hybrids and in the evolution of the common potato". Tamburino R, D'Agostino N, Aufiero G, Nicolia A, Facchiano A, Giordano D, Sannino L, Paparo R, Arimura SI, Scotti N, Cardi T. <i>Plant Biotechnol J</i>. 2025; 23(5):1862-1875. https://doi.org/10.1111/pbi.70012</p> <p>Article: "Transmembrane proteins in grape immunity: current knowledge and methodological advances". Gallucci A., Giordano D., Facchiano A., Villano C., Carputo D., Aversano R. <i>Front. Plant Sci.</i> 2024,15:1515163. doi: 10.3389/fpls.2024.1515163.</p> <p>Article: "Theoretical study based on molecular docking to investigate the potential interaction of known antiviral food components with SARS-CoV-2 proteins". Giordano D., Argenio M. A., Scafuri B., Carbon V., Bonora S., D'Arminio N., Marabotti A., Facchiano A. <i>Food Bioscience</i> 2024; 62, 105415, ISSN: 2212-4292, doi: 10.1016/j.fbio.2024.105415</p> <p>Article "Bioinformatics Study on Site-Specific Variations of Eotaxin-3, a Key Chemokine in Eosinophilic Esophagitis (EoE)". Giordano D.; d'Acierno A.; Marabotti A.; Iovino P.; Iacomino G.; Facchiano, A. <i>Genes</i> 2024; 15, 1073. https://doi.org/10.3390/genes15081073</p>

Article “Health-Promoting Effects, Phytochemical Constituents and Molecular Genetic Profile of the Purple Carrot ‘Purple Sun’ (*Daucus carota* L.)”. Maresca V.; Capasso L.; Rigano D.; Stornaiuolo M.; Sirignano C.; Piacente S.; Cerulli A.; Marallo N.; Basile A.; Nebbioso A.; Giordano D.; Facchiano A.; de Masi L.; Bontempo P. *Nutrients* 2024; 16, 2505. <https://doi.org/10.3390/nu16152505>

Article “Structural and Functional Characterization of Lipoxygenases from Diatoms by Bioinformatics and Modelling Studies”. Giordano, D.; Bonora, S.; D’Orsi, I.; D’Alelio, D.; Facchiano, A. *Biomolecules* 2024; 14, 276. <https://doi.org/10.3390/biom1403027>

Article: “Phenolic Compounds and Capsaicinoids in Three *Capsicum annum* Varieties: From Analytical Characterization to In Silico Hypotheses on Biological Activity”. Giordano, D., Facchiano, A., Minasi, P., D’Agostino, N., Parisi, M., & Carbone, V. *Molecules* 2023; 28(19), 6772. <https://doi.org/10.3390/molecules28196772>

Article: “Sirtuin Inhibitor Cambinol Induces Cell Differentiation and Differently Interferes with SIRT1 and 2 at the Substrate Binding Site” Giordano D., Scafuri B., De Masi L.; Capasso L., Maresca V., Altucci L., Nebbioso A., Facchiano A., Bontempo P. *Biomedicines* 2023; 11(6), 1624. <https://doi.org/10.3390/biomedicines11061624>

Article: “Molecular Docking of Natural Compounds for Potential Inhibition of AhR”. Giordano D., Facchiano A., Moccia S., Meola A.M.I., Russo G.L., Spagnuolo, C. *Foods* 2023, 12, 1953. <https://doi.org/10.3390/foods12101953>

Article: “Standardizing macromolecular structure files: further efforts are needed”. D’Arminio N., Giordano D., Scafuri B., Facchiano A., Marabotti A. *Trends Biochem Sci.*, 2023, 6:S0968-0004(23)00078-6. <https://doi.org/10.1016/j.tibs.2023.03.002>

Article: “Resources and tools for rare disease variant interpretation”. Licata Luana, Via A., Turina P., Babbi G., Benevenuta S., Carta C., Casadio R., Cicconardi A., Facchiano A., Fariselli P., Giordano D., Isidori F., Marabotti A., Martelli P.L., Pascarella S., Pinelli M., Pippucci T., Russo R., Savojardo C., Scafuri B., Valeriani L., Capriotti E. *Frontiers in Molecular Biosciences* 2023, 10. <https://doi.org/10.3389/fmolb.2023.1169109>

Article: “Machine Learning as a Support for the Diagnosis of Type 2 Diabetes”. Agliata A., Giordano D., Bardozzo F., Bottiglieri S., Facchiano A., Tagliaferri R. *International Journal of Molecular Sciences*. 2023; 24(7):6775. <https://doi.org/10.3390/ijms24076775>

Article: “Food Plant Secondary Metabolites Antiviral Activity and Their Possible Roles in SARS-CoV-2 Treatment: An Overview”. Giordano D., Facchiano A., Carbone V. *Molecules*. 2023; 28(6):2470. <https://doi.org/10.3390/molecules28062470>

Article: “Identification of Dihydrolipoamide Dehydrogenase as Potential Target of Vemurafenib-Resistant Melanoma Cells”. Tabolacci C., Giordano D., Rossi S., Cordella M., D’Arcangelo D., Moschella F., D’Atri S., Biffoni M., Facchiano A., & Facchiano F. *Molecules* 2022; 27(22), 7800. <https://doi.org/10.3390/molecules27227800>

Article: “Molecular dynamics analysis of the structural properties of the transglutaminases of *Kutzneria albida* and *Streptomyces mobaraensis*”. Giordano D., Langini C., Caflich A., Marabotti A., & Facchiano A. *Computational and structural biotechnology journal* 2022; 20, 3924–3934. <https://doi.org/10.1016/j.csbj.2022.07.024>

- Article:** "In Silico Analysis of the Effects of Omicron Spike Amino Acid Changes on the Interactions with Human Proteins". D'Arminio N., Giordano D., Scafuri B., Biancaniello C., Petrillo M., Facchiano A., & Marabotti A. *Molecules* 2022; 27(15), 4827. <https://doi.org/10.3390/molecules27154827>
- Article:** "Drug Design by Pharmacophore and Virtual Screening Approach" Giordano D., Biancaniello C., Argenio M. A., & Facchiano A. *Pharmaceuticals* 2022; 15(5), 646. <https://doi.org/10.3390/ph15050646>
- Article:** "Investigating the Effects of Amino Acid Variations in Human Menin" Biancaniello C., D'Argenio A., Giordano D., Dotolo S., Scafuri B., Marabotti A., d'Acierno A., Tagliaferri R., & Facchiano A. *Molecules* 2022; 27(5), 1747. <https://doi.org/10.3390/molecules27051747>
- Article:** "Structural Dissection of Viral Spike-Protein Binding of SARS-CoV-2 and SARS-CoV-1 to the Human Angiotensin-Converting Enzyme 2 (ACE2) as Cellular Receptor" Giordano D., De Mas L., Argenio M. A., Facchiano A. *Biomedicines* 2021; 9, 1038. <https://doi.org/10.3390/biomedicines9081038>
- Article:** "Transamidation Down-Regulates Intestinal Immunity of Recombinant α -Gliadin in HLA-DQ8 Transgenic Mice" Rossi S., Giordano D., Mazzeo M.F., Maurano F., Luongo D., Facchiano A., Siciliano R.A., Rossi M. *International Journal of Molecular Sciences* 2021; 22(13):7019. <https://doi.org/10.3390/ijms22137019>
- Article:** "A hypothesis on the capacity of plant odorant-binding proteins to bind volatile isoprenoids based on in silico evidences" Giordano D., Facchiano A., D'Auria S., Loreto F. *Elife* 2021; 10:e66741. <https://doi.org/10.7554/eLife.66741>
- Article:** "New compounds for a good old class: Synthesis of two B-lactam bearing cephalosporins and their evaluation with a multidisciplinary approach" Vigliotta G., Giordano D., Verdino A., Caputo I., Martucciello S., Soriente A., Marabotti A., De Rosa M. *Bioorganic & Medicinal Chemistry*, volume 28, issue 4, 15 February 2020, 115302. DOI:10.1016/j.bmc.2019.115302
- Article:** "Classification of Microbial Transglutaminases by evaluation of evolutionary trees, sequence motifs, secondary structure topology and conservation of potential catalytic residues" Giordano D., Facchiano A. *BIOCHEM. BIOPHYS. RES. COMMUN.*, volume 509, Issue 2, February 2019, Pages 506-513. DOI:10.1016/j.bbrc.2018.12.121
- Article:** "Synthesis and biological evaluation of the progenitor of a new class of cephalosporin analogues, with a particular focus on structure-based computational analysis" Verdino A., Vigliotta G., Giordano D., Caputo I., Soriente A., De Rosa M., Marabotti A. *PLOS ONE*, volume 12, July 2017, Pag.e0181563-e0181580 ISSN: 1932-6203. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0181563>
- Article:** "4-Nonylphenol reduces cell viability and induces apoptosis and ER-stress in a human epithelial intestinal cell line" Lepretti M., Paoletta G., Giordano D., Marabotti A., Gay F., Capaldo A., Esposito C., Caputo I. *Toxicology in vitro*, volume 29, Issue 7, October 2015, Pages 1436–1444. DOI: 10.1016/j.tiv.2015.04.022
- Chapter:** "Algorithms for Structure Comparison and Analysis: Prediction of Structures of Proteins". Nancy D'Arminio, Deborah Giordano, Angelo Facchiano, Anna Marabotti. Volume 1, 2025, pages 42-54, *Encyclopedia of Bioinformatics and Computational Biology* (Second Edition), Elsevier. <https://doi.org/10.1016/B978-0-323-95502-7.00114-7>

Chapter: "Algorithms for Structure Comparison and Analysis: Docking" Deborah Giordano, Nancy D'Arminio, Anna Marabotti, Angelo Facchiano. Volume 1, 2025, pages 71-82, *Encyclopedia of Bioinformatics and Computational Biology* (Second Edition), Elsevier. <https://doi.org/10.1016/B978-0-323-95502-7.00149-4>

Encyclopedia entry: "Food Plant Secondary Metabolites Antiviral Activity". Giordano, D.; Facchiano, A.; Carbone, V. *Encyclopedia*, 2023. <https://encyclopedia.pub/entry/42358>.

ARTICLE: "Molecular Aspects of Spike–ACE2 Interaction". De Masi, L., Argenio, M. A., Giordano, D., & Facchiano, A. *Encyclopedia* 2022; 2(1):96-108. <https://doi.org/10.3390/encyclopedia2010007>

Poster: "Searching for the protein targets of 4-nonylphenol using a computational approach." Giordano D., Scafuri B., Caputo I., Gay F., Capaldo A., Esposito C., Marabotti A. **NETTAB international conference 2014**, selected for spot presentation.

Poster: "Searching for the protein targets of 4-nonylphenol using a computational approach." Giordano D., Scafuri B., Caputo I., Gay F., Capaldo A., Esposito C., Marabotti A. **BBCC conference 2014**.

Abstract: "Microbial Transglutaminases investigations for selecting putative forms of industrial interest". Giordano D., Facchiano A. *PeerJ Preprints* 4:e2260v1. **BITS2016 Meeting**. <https://doi.org/10.7287/peerj.preprints.2260v1>.

Abstract: "A cellular automata to simulate the growth and death of a cell culture." Guerrisi G., Giordano D., Marabotti A., Raiconi G., Tagliaferri R. *PeerJ Preprints* 4:e2301v1. **BITS2016 Meeting – Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society – Fisciano, 15-17 June, 2016**. <https://doi.org/10.7287/peerj.preprints.2301v1>

Oral Presentation: "Transglutaminase, Nutrition and Human Health" Giordano D., Facchiano A. **1° Workshop per dottorandi IMAEV – Strategie di ricerca a supporto di alimenti funzionali**. Foggia, 13-14 October, 2016

Abstract: "Computational analysis and biological characterization of a newly synthesized cephalosporin analogue." Verdino A., Vigliotta G., Giordano D., Caputo I., Soriente A., De Rosa M., Marabotti A. **BBCC conference 2016 - Avellino, 16 December, 2016**.

Poster: "A preliminary classification of Microbial Transglutaminases." Giordano D., Facchiano A. **BITS2017 Meeting - Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society - Cagliari 5-7 July, 2017**

Poster: "Sequence analysis and evolutionary relationships of Microbial Transglutaminases." Giordano D., Facchiano A. **ISMB/ECCB 2017 Conference - Annual International Conference on Intelligent Systems for Molecular Biology (ISMB) - Prague, 21-25 July, 2017**

Abstract and Flash Poster presentation: "Evolutionary relationships of microbial transglutaminases", Giordano D., Facchiano A. *PeerJ Preprints* 5:e3320v1. **NETTAB2017 Workshop – Annual Meeting – Palermo, 16-18 October, 2017**. <https://doi.org/10.7287/peerj.preprints.3320v1>

Poster: "Homology modelling based study of structural properties of Microbial Transglutaminases." Giordano D., Facchiano A. **BBCC2017 Meeting - International Conference on Bioinformatics and Computational Biology** - Naples, 18-20 December, 2017.

Poster: "Microbial transglutaminases 3D structures and evolution." Giordano D., Facchiano A. **BITS2018 Meeting - Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society** Turin, 27-29 June, 2018.

Poster: "Microbial Transglutaminases' structure and their evolution". Giordano D., Facchiano A. **NETTAB2018 Workshop - Annual Meeting**. Genoa 22-24 October 2018

Oral Presentation: "Microbial transglutaminases: a deep analysis of PFAM sequences". Giordano D., Facchiano A. **BBCC2018 Meeting – Bioinformatics and Computational Biology International Conference**. Naples, 19-21 November, 2018

Oral Presentation: "Molecular dynamics analysis of MTGase and KalbTGase enzymes". Giordano D., Facchiano A. **BITS2019 Meeting – Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society**. Palermo, 26-28 June, 2019

Poster: "Comparison of members of the TGase enzyme family: insight the structure&function relationships". Giordano D., Facchiano A. **NETTAB / BBCC 2019 Meeting**. Fisciano, 12-13 November, 2019.

Poster: "Investigating structural and functional properties of menin protein". Biancaniello C., D'Argenio A., Dotolo S., Giordano D., Scafuri B., d'Acierno A., Marabotti A., Tagliaferri R., Facchiano A. **BBCC 2020 Meeting– Bioinformatics and Computational Biology International Conference..** Virtual Conference, 16-18 November, 2020.

Poster: "Screening procedure for selection of putative ligands of SARSCOV-2 proteins". Giordano D., Argenio M.A., Scafuri B., Carbone V., Marabotti A., Facchiano A. **BBCC 2020 Meeting– Bioinformatics and Computational Biology International Conference..** Virtual Conference, 16-18 November, 2020.

Poster: "Menin protein and its variants investigated by in silico approaches". Biancaniello C., D'Argenio A., Dotolo S., Giordano D., Scafuri B., d'Acierno A., Marabotti A., Tagliaferri R., Facchiano A. **WebPro 2020 Meeting – SIB PROTEINS GROUP**. Virtual Conference, 20-21 May, 2021.

Poster: "Computational study of the molecular interactions in the binding of coronavirus Spike-proteins with the human Angiotensin-Converting Enzyme 2 (ACE2) cellular receptor". Giordano D., Argenio M.A., De Masi L., Facchiano A. **WebPro 2020 Meeting – SIB PROTEINS GROUP**. Virtual Conference, 20-21 May, 2021.

Poster: "Molecular dissection of the inter-chain interface of the human Angiotensin-Converting Enzyme 2 (ACE2) receptor with the SARS-CoV-2 Spike-protein." Giordano D., Argenio M.A., De Masi L., Facchiano A. **BITS2021 Meeting - Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society** Virtual Conference, 1-2 July, 2021.

Poster: "NPR1 a hypothesis on its 3D structural model and a preliminary classification of NPR1 protein sequences across different species." De Leo L., Giordano D., Facchiano A. **BBCC 2021 Meeting– Bioinformatics and Computational Biology International Conference**. Virtual Conference, 1-3 December, 2021.

Poster: "Molecular docking of natural compounds for potential inhibition of AhR". Giordano D., Spagnuolo C., Russo G.L., Facchiano A. **Proteine 2022 Meeting – SIB PROTEINS GROUP**. Pisa, 18-20 May, 2022

Poster: "Modelling the effects of spike omicron mutations on the antibody interactions". D'Arminio N., Giordano D., Scafuri B., Petrillo M., Facchiano A., Marabotti M. **Proteine 2022 Meeting – SIB PROTEINS GROUP**. Pisa, 18-20 May, 2022.

Oral Presentation: "Molecular docking simulations for the screening of putative ligands of SARS-CoV-2 proteins". Giordano D., Argenio M.A., Scafuri B., Carbone V., Marabotti M., Facchiano A. **BITS2022 Meeting – Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society**. Verona, 27-29 June, 2022

Oral Presentation: "Molecular simulations to investigate protein structure and function." Giordano D., Facchiano A. **3rd IBBR Memorial Workshop**. Napoli, 10-11 November, 2022

Poster: "Applications of bioinformatics methodologies in the study of lipoxygenases from diatoms". D'Orsi I., Giordano D., D'Alelio D., Facchiano A. **3rd IBBR Memorial Workshop**. Napoli, 10-11 November, 2022

Poster: "Study of the potential biological activity of substances extracted from agri-food industry waste". Nigro A., Giordano D., Facchiano A. **3rd IBBR Memorial Workshop**. Napoli, 10-11 November, 2022

Poster: "Lipoxygenases from diatoms." D'Orsi I., Giordano D., D'Alelio D., Facchiano A. **BBCC 2022 Meeting– Bioinformatics and Computational Biology International Conference**. Virtual Conference, 13-15 December, 2022.

Poster: "Effects of the omicron variants on the interaction between Spike and human antibodies performed by a computational strategy." D'Arminio N., Vitulano G., Scafuri B., Giordano D., Petrillo M., Facchiano A., Marabotti M. **BBCC 2022 Meeting– Bioinformatics and Computational Biology International Conference**. Virtual Conference, 13-15 December, 2022.

Oral Presentation (tenuta da S. Bonora): "Bioinformatics study for the structural and functional characterization of lipoxygenases from diatoms". Bonora S., D'Orsi I., Giordano D., D'Alelio D., Facchiano A. **BITS2023 Meeting – Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society**. Bari, 27-29 June, 2023

Oral Presentation (tenuta da B. Scafuri): "The importance of data standardization for the analysis of structural files: a case report". Scafuri B., D'Arminio N., Giordano D., Facchiano A., Marabotti M. **BITS2023 Meeting – Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society**. Bari, 27-29 June, 2023

Oral Presentation & Poster: "Applications of bioinformatics methodologies in the study of lipoxygenases from diatoms". Bonora S., D'Orsi I., Giordano D., D'Alelio D., Facchiano A. **ISMB/ECCB 2023 Conference - Annual International Conference on Intelligent Systems for Molecular Biology (ISMB)** - Lyon, 23-27 July, 2023

Poster: "Food components and their activity by interacting with protein targets." Giordano D., Facchiano A. **ISMB/ECCB 2023 Conference - Annual International Conference on Intelligent Systems for Molecular Biology (ISMB)** - Lyon, 23-27 July, 2023

Poster: "Predicting the effects of SARS-CoV-2 VoCs on human antibody interaction." D'Arminio N., Scafuri B., Giordano D., Facchiano A., Marabotti A. **ISMB/ECCB 2023 Conference - Annual International Conference on Intelligent Systems for Molecular Biology (ISMB)** - Lyon, 23-27 July, 2023

Poster: "Protein-ligand interaction in the AlphaFold era". Giordano D., Facchiano A. **IV Memorial Workshop Maria Ciaramella**. Napoli, 16-17 November, 2023

Poster: "A database about the activity of food components and their interaction with human proteins". Giordano D., Facchiano A., **BBCC 2023 Meeting– Bioinformatics and Computational Biology International Conference**. Napoli, 4-7 December, 2023

Poster: "Study of lipoxygenases from diatoms exploiting bioinformatics methodologies". Bonora S., D'Orsi I., Giordano D., D'Alelio D., Facchiano A. **BBCC 2023 Meeting– Bioinformatics and Computational Biology International Conference**. – Napoli, 4-7 December, 2023

Oral Presentation (tenuta da S. Bottiglieri): "Enhancing Type 2 Diabetes Diagnosis with Machine Learning". Agliata A., Giordano D., Bardozzo F., Bottiglieri S., Facchiano A., Tagliaferri R. **BBCC 2023 Meeting– Bioinformatics and Computational Biology International Conference**. – Napoli, 4-7 December, 2023

Poster: "A new bioinformatics resource for investigating food compounds role in human health". Sanseverino N., Giordano D., Facchiano A., **BITS2024 Meeting – Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society**. Trento, 12-14 June, 2024

Poster: "A novel tool to investigate food compounds and their effects on human health by integrating online bioinformatics resources". Sanseverino N., Giordano D., Facchiano A. **BBCC 2024 Meeting– Bioinformatics and Computational Biology International Conference**. – Napoli, 27-29 November, 2024

Poster: "A structural bioinformatics approach to study the effects of site-specific variations in Eosinophilic Esophagitis (EoE)". Giordano D., d'Acierno A., Marabotti A., Iovino P., Iacomino G., Facchiano A. **BBCC 2024 Meeting– Bioinformatics and Computational Biology International Conference**. – Napoli, 27-29 November, 2024

Poster: "Computational Exploration of Food-Derived Bioactive Compounds: A Web Application for Target Prediction and Drug Discovery" Sanseverino N., Giordano D., Facchiano A. **BITS2025 Meeting – Annual International Meeting of the Bioinformatics Italian Society**. Napoli, 11-13 June, 2025

Poster: "Structural Bioinformatics Analysis of Site-Specific Variants in Eotaxin-3 and Thymic Stromal Lymphopoietin (TSLP)". Giordano D.; d'Acierno A.; Marabotti A.; Iovino P.; Iacomino G.; Facchiano, A. **BITS2025 Meeting – Annual International Meeting of the Bioinformatics Italian Society**. Napoli, 11-13 June, 2025

Poster: "Integrative Web Application for predicting Protein Targets of Bioactive Food Compounds" Sanseverino N., Giordano D., Facchiano A. **ISMB/ECCB 2025 Conference - Annual International Conference on Intelligent Systems for Molecular Biology (ISMB)**. Liverpool, 20-24 July, 2025

Poster: "A Structural Bioinformatics Platform for Missense Mutations in Eotaxin-3 and TSLP". Giordano D.; d'Acierno A.; Marabotti A.; Iovino P.; Iacomino G.; Facchiano, A. ISMB/ECCB 2025 Conference - Annual International Conference on Intelligent Systems for Molecular Biology (ISMB). Liverpool, 20-24 July, 2025

ATTIVITÀ EDITORIALE:

Topic Editor per Entropy (MDPI) per lo special issue "New Developments and Applications in Bioinformatics and Computational Biology" (2023).

Guest Editor per Frontiers in Genetics, dal 2024, per il research topic "Advancements in AI for the Analysis and Interpretation of Large-scale Data by Omics Techniques".

Referee di numerosi articoli per diverse riviste scientifiche.

PRINCIPALI ATTESTATI:

- Partecipazione alla Parma Summer School 2016 "IN SILICO/IN VITRO APPROACHES FOR FOOD SCIENCE", September 9th, 2016.
- Component of the Local Organizing Committee of the XIII Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society held at the University of Salerno, Fisciano and of the satellite activities from 13 to 17/06/2016.
- Partecipazione alla "Summer School in Bioinformatics 2017", EMBL-EBI course, Wellcome Genome Campus, Hinxton, UK, 26-30 June, 2017.
- Partecipazione al CINECA course 2017 "High Performance Molecular Dynamics", Bologna, 13-15 September, 2017
- 20-hour course on Project Management
- 18-hour course on Fondamenti di java per biologi
- 16-hour course on Advanced Fluorescence Application in Biotechnology & Biology
- Component of the Local Organizing Committee of the XIII Annual Bioinformatics and Computational Biology International Conference held virtually from 1 to 3/12/2021.
- Component of the Local Organizing Committee and Chair of the XIII Annual Bioinformatics and Computational Biology International Conference held virtually from 13 to 15/12/2022.
- Component of the Scientific Committee of the XIV Annual Bioinformatics and Computational Biology International Conference, Naples 4-7 December, 2023.

Referenze

Dott. Angelo Facchiano, CNR-ISA Avellino (Ph.D. Co-Tutor)
angelo.facchiano@isa.cnr.it

Dott.ssa Maria Cristina Staiano CNR-ISA Avellino (Tutor assegno di ricerca)
maria.staiano@isa.cnr.it

Dott.ssa Anna Marabotti, Università di Salerno (Tutor- tesi laurea magistrale)
amarabotti@unisa.it

Dott.ssa Ivana Caputo, Università di Salerno (co-Tutor tesi laurea magistrale)
icaputo@unisa.it

Le dichiarazioni di cui al presente curriculum sono rese sotto la propria responsabilità con la consapevolezza delle sanzioni penali previste per il caso di dichiarazioni false o mandaci, così come stabilito dall'art. 76 del DPR n 445/2000.

Il sottoscritto esprime il proprio consenso al trattamento dei propri dati personali presenti in questo cv ai sensi dell'art. 13 del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali" e dell'art. 13 del GDPR (Regolamento UE 2016/679).



Firmato digitalmente da:

DEBORAH GIORDANO

Firmato il 01/09/2025 11:22

Seriale Certificato: 7099046886111149764

Valido dal 04/09/2024 al 04/09/2027

UANATACA Qualified eIDAS CA 2020